```
;  Sequence 3, Application US/10023339
;  Publication No. US20030208058A1
;  GENERAL INFORMATION:
;  APPLICANT: Human Genome Sciences, Inc.
;  TITLE OF INVENTION: B7-Like Polynucleotides, Polypeptides, and Antibodies
;  FILE REFERENCE: PT124P1
;  CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/023,339
;  CURRENT FILING DATE: 2001-12-20
;  PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/US01/20917
;  PRIOR FILING DATE: 2001-06-29
;  PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/215,135
;  PRIOR FILING DATE: 2000-06-30
;  PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/225,266
;  PRIOR FILING DATE: 2000-08-14
;  NUMBER OF SEQ ID NOS: 49
;  SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.0
;  SEQ ID NO 3
;   LENGTH: 2406
;   TYPE: DNA
;   ORGANISM: Homo sapiens
US-10-023-339-3
```

```
Query Match       97.4%;  Score 1177;  DB 12;  Length 2406;
Best Local Similarity  99.7%;  Pred. No. 0;
Matches 1191;  Conservative  0;  Mismatches  0;  Indels  4;  Gaps  1;
```

```
Qy       19 ATCAAATACAGAACATGATCTTCCTCCTGCTAAGTTGAGCCTGAATTGCAGCTTCACC 78
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      257 ATCAAATACAGAACATGATCTTCCTCCTGCTAAGTTGAGCCTGAATTGCAGCTTCACC 316

Qy       79 AGATAGCAGCTTATTCAACAGTGACAGTCCCTAAGGAACTGTACATAATAGAGACATGGCA 138
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      317 AGATAGCAGCTTATTCAACAGTGACAGTCCCTAAGGAACTGTACATAATAGAGACATGGCA 376

Qy      139 GCAATGTGACCCTGGAATGCAATCAACTTGACACTGGAAGTCATGTGGAGCTACAAGTAA 198
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      377 GCAATGTGACCCTGGAATGCAATCAACTTGACACTGGAAGTCATGTGGAGCTACAATAA 436

Qy      199 CAGCCAGTTTGCAAAAGGTGGAAAATGATACATCCCACCGTGAAAGAGCCACTTTGC 258
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      437 CAGCCAGTTTGCAAAAGGTGGAAAATGATACATCCCACCGTGAAAGAGCCACTTTGC 496

Qy      259 TGGAGGAGCAGCTGCCCCTAGGGAAGGCCTCGTTCCACATACCTCAAGTGCAAGTGAGGG 318
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      497 TGGAGGAGCAGCTGCCCCTAGGGAAGGCCTCGTTCCACATACCTCAAGTGCCAAGTGAGGG 556

Qy      319 ACGAAGGACAGTACCAATGCATAATCATCTATGGGGTCGCCTGGGACTACAAGTACCTGA 378
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      557 ACGAAGGACAGTACCAATGCATAATCATCTATGGGGTCGCCTGGGACTACAAGTACCTGA 616

Qy      379 CTCTGAAAGTCAAAGCTTCCTACAGGAAAAATAAACACTCACATCCTAAAGGTTCCAGAAA 438
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      617 CTCTGAAAGTCAAAGCTTCCTACAGGAAAAATAAACACTCACATCCTAAAGGTTCCAGAA 676

Qy      439 CAGATGAGGTAGAGCTCACCTGCCAAGCTAGCAGTTATCCTCTGGCAGAAGTATCCTGGC 498
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      677 CAGATGAGGTAGAGCTCACCTGCCAAGCTAGCAGTTATCCTCTGGCAGAAGTATCCTGGC 736

Qy      499 CAAAGTGACCGTTCTGCGCCAACACACAGCCACTCCAGGATCCTTCGGCAGAAACTTCAGG 558
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      737 CAAAGTGACCGTTCTGCGCCAACACACAGCCACTCCAGGATCCTTCGGCAGAAACTTCAGG 796

Qy      559 TCACCAGTGTTCTGCGCCTAAAGCCACCCCTGGCAGAACTTGCCTGTGTGTTGTTCTGA 618
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      797 TCACCAGTGTTCTGCGCCTAAAGCCACCCCTGGCAGAACTTGCCTGTGTGTTGTTCTGA 856

Qy      619 ATACTCACGTGAGGGAACTTACTTTGGCCAGCATTGACCTTCAAAGTCAGATGGAACCCA 678
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      857 ATACTCACGTGAGGGAACTTACTTTGGCCAGCATTGACCTTCAAAGTCAGATGGAACCCA 916

Qy      679 GGACCCATCCAACTTGGCTGCTTCACATTTTCATCCCCTGCATCATTGCTTTCATTT 738
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      917 GGACCCATCCAACTTGGCTGCTTCACATTTTCATCCCCTGCATCATTGCTTTCATTT 976
```

```
Db      378 GCAATGTGACCCTGGAATGCAATCAACTTGACACTGGAAGTCATGTGGAGCTACAAGTAA 437

Qy      199 CAGCCAGTTTGCAAAAGGTGGAAAATGATACATCCCACCGTGAAAGAGCCACTTTGC 258
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      438 CAGCCAGTTTGCAAAAGGTGGAAAATGATACATCCCACCGTGAAAGAGCCACTTTGC 497

Qy      259 TGGAGGAGCAGCTGCCCCTAGGGAAGGCCTCGTTCCACATACCTCAAGTGCAAGTGAGGG 318
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      498 TGGAGGAGCAGCTGCCCCTAGGGAAGGCCTCGTTCCACATACCTCAAGTGCCAAGTGAGGG 557

Qy      319 ACGAAGGACAGTACCAATGCATAATCATCTATGGGGTCGCCTGGGACTACAAGTACCTGA 378
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      558 ACGAAGGACAGTACCAATGCATAATCATCTATGGGGTCGCCTGGGACTACAAGTACCTGA 617

Qy      379 CTCTGAAAGTCAAAGCTTCCTACAGGAAAAATAAACACTCACATCCTAAAGGTTCCAGAAA 438
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      618 CTCTGAAAGTCAAAGCTTCCTACAGGAAAAATAAACACTCACATCCTAAAGGTTCCAGAA 677

Qy      439 CAGATGAGGTAGAGCTCACCTGCCAAGCTAGCAGTTATCCTCTGGCAGAAGTATCCTGGC 498
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      678 CAGATGAGGTAGAGCTCACCTGCCAAGCTAGCAGTTATCCTCTGGCAGAAGTATCCTGGC 737

Qy      499 CAAACGTCAGCGTTCTGCGCCAACACACAGCCACTCCAGGATCCTTCGGCAGATCCTTCGTCCA 558
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      738 CAAACGTCAGCGTTCTGCGCCAACACACAGCCACTCCAGGATCCTTCGGCATGCTTTCATTT 797

Qy      559 TCACCAGTGTTCTGCGCCTAAAGCCACCCCTGGCAGAACTTGCCTGTGTGTTGTTCTGA 618
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      798 TCATAGCCACAGTGATAGCCCTAAGAAAACAACTCTGTCAAAAGCTGTATTCTTCAAAG 857

Qy      619 ATACTCACGTGAGGGAACTTACTTTGGCCAGCATTGACCTTCAAAGTCAGATGGAACCCA 678
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      858 ATACTCACGTGAGGGAACTTACTTTGGCCAGCATTGACCTTCAAAGTCAGATGGAACCCA 917

Qy      679 GGACCCATCCAACTTGGCTGCTTCACATTTTCATCCCCTGCATCATTGCTTTCATTT 738
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      918 GGACCCATCCAACTTGGCTGCTTCACATTTTCATCCCCTGCATCATTGCTTTCATTT 977

Qy      739 TCATAGCCACAGTGATAGCCCTAAGAAAACAACTCTGTCAAAAGCTGTATTCTTCAAAG 798
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db      978 TCATAGCCACAGTGATAGCCCTAAGAAAACAACTCTGTCAAAAGCTGTATTCTTCAAAG 1037

Qy      799 ACACAACAACAAAAGACCTGTCACCACAACAGAGGAAGTGAACAGTGCTATCTGAACCT 858
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db     1038 ACACAACAACAAAAGACCTGTCACCACAACAGAGGAAGTGAACAGTGCTATCTGAACCT 1097

Qy      859 GTGGTCTTGGGAGCCAGGGTGACCTGATATGACATCTAAAGAAGCTTCGCACTCTGAAC 918
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db     1098 GTGGTCTTGGGAGCCAGGGTGACCTGATATGACATCTAAAGAAGCTTCGCACTCTGAAC 1157

Qy      919 AAGAATTCGGTGGCCTGCAGAGCTTGCCATTTGCACTTTGCATTTGCATTTCAAAATGCCTTTGACTGACCC 978
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db     1158 AAGAATTCGGTGGCCTGCAGAGCTTGCCATTTGCACTTTGCATTTGCATTTCAAAATGCCTTTGACTGACCC 1217

Qy      979 AGCACTTTAATCTGAAACCTGCAACAGCAGCTAGCAACCTGCAACACACCTGGCAACTTGCCCC 1038
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db     1218 AGCACTTTAATCTGAAACCTGCAACAGCAGCTAGCAACCTGCAACACACCTGGCAACTTGCCCC 1277

Qy     1039 TTCACTGATCTGACTCACCCTCTGGAGCTTTAAGCAAGACTACTGCACTTTA 1098
            |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db     1278 TTCACTGATCTGACTCACCCTCTGGAGCTTTAAGCAAGACTACTGCACTTTA 1337

Qy     1099 CAGAATTACCCCACTGGATCCTGGACCCCACAGAATTCCTTCGGATCCTTCTTGCTGCCA 1158
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db     1338 CAGAATTACCCCACTGGATCCTGGACCCCACAGAATTCCTTCGGATCCTTCTTGCTGCCA 1397

Qy     1159 GACTGAAAGCAAAAGGCAAAAGAGAATTATTTCCCCTCAAGTTTTCTAAGTGATTTCCA 1209
            ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db     1398 GACTGAAAGCAAAAGGCAAAAGAGAATTATTTCCCCTCAAGTTTTCTAAGTGATTTCCA 1448
```

```
RESULT 7
US-10-023-339-3
```

```
Qy    739  TCATAGCCACAGTGATAGCCCTAAGAAAACAACTCTGTCAAAAGCTGTATTCTTCAAAAG  798
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||| ||||| ||||||||||
Db    977  TCATAGCCACAGTGATAGCCCTAAGAAAAAACAACTCTGTCAAAAGCTGTATTCTTCAAAAG  1036

Qy    799  ACACAACAAAAGACCTGTCACCACAACACAAGAGGGAAGTGAACAGTGCT---ATCTGA  854
           ||||||||||||||||||||||||||||| || |||||||||||||||| | ||||||
Db   1037  ACACAACAAAAGACCTGTCACCACAACACAAGAGGGAAGTGAACAGTGCTGAACAGTCTGA  1096

Qy    855  ACCTGTGGTCTTGGGAGCCAGGGTGACCTGATATGACATCTAAAGAAGCTTCTGGACTCT  914
           ||||||||||||||||||||||||| |||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1097  ACCTGTGGTCTTGGGAGCCAGGGTGACCTGATATGACATCTAAAGAAGCTTCTGGACTCT  1156

Qy    915  GAACAGAATTCGGTGGCTGGCCTGCAGAGCTTGCCATTTGCACTTTGCAAATGCCTTGGATG  974
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||| |||| |||||||||||||||||
Db   1157  GAACAGAATTCGGTGGCTGGCCTGCAGAGCTTGCCATTTGCACTTTGCAAATGCCTTTGGATG  1216

Qy    975  ACCCAGCACTTTAATCTGAAACCTGCAACAAGACTAGCCAACACACCTGGCCATGAAACTTG  1034
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1217  ACCCAGCACTTTAATCTGAAACCTGCAACAAGACTAGCCAACACACCTGGCCATGAAACTTG  1276

Qy   1035  CCCCTTCACTGATCTGGACTCACCTCTGGAGCCTATGGCTTTAAGCAAGCACTACTGCAC  1094
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1277  CCCCTTCACTGATCTGGACTCACCTCTGGAGCCTATGGCTTTAAGCAAGCACTACTGCAC  1336

Qy   1095  TTTACAGAATTACCCCACTGGATCCTGGACCCACAGAATTCCTTCAGGATCCTTCTTGCT  1154
           |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1337  TTTACAGAATTACCCCACTGGATCCTGGACCCACAGAATTCCTTCAGGATCCTTCTTGCT  1396

Qy   1155  GCCAGACTGAAAGCAAAAGCAAAAGGAATTATTTCCCCTCAAGTTTCTAAGTGATTTCCA  1209
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1397  GCCAGACTGAAAGCAAAAGCAAAAGGAATTATTTCCCCTCAAGTTTCTAAGTGATTTCCA  1451
```

RESULT 8
US-09-895-837-1
; Sequence 1, Application US/09895837
; Patent No. US2002011083A1
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: Freeman, Gordon
; APPLICANT: Chernova, Irene
; APPLICANT: Chernova, Tatyana
; APPLICANT: Malenkovich, Nelly
; APPLICANT: Wood, Clive
; APPLICANT: Latchman, Yvette
; APPLICANT: Sharpe, Arlene H.
; TITLE OF INVENTION: PD-L2 MOLECULES: NOVEL PD-1 LIGANDS AND
; TITLE OF INVENTION: USES THREREFOR
; FILE REFERENCE: GNN-026B
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/895,837
; CURRENT FILING DATE: 2001-06-28
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/214,563
; PRIOR FILING DATE: 2000-06-28
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/270,822
; PRIOR FILING DATE: 2001-02-23
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/271,114
; PRIOR FILING DATE: 2001-02-23
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 12
; SOFTWARE: FastSEQ for Windows Version 4.0
; SEQ ID NO 1
; LENGTH: 1223
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Homo sapiens
; FEATURE:
; NAME/KEY: CDS
; LOCATION: (274)...(1092)
US-09-895-837-1

Query Match       79.7%;  Score 964;  DB 10;  Length 1223;
Best Local Similarity  100.0%;  Pred. No. 1.3e-308;
Matches 964;  Conservative   0;  Mismatches   0;  Indels   0;  Gaps   0;

```
Qy     19  ATCAAATACAGAACATGATCTTCCTCCTGCTAATGTTGAGCCTGGAATTGCAGCTTCACC  78
```

```
Db    260  ATCAAATACAGAACATGATCTTCCTCCTGCTAATGTTGAGCCTGGAATTGCAGCTTCACC  319

Qy     79  AGATAGCAGCTTTATTCACAGTGACAGTCCCTAAGGAACTGTACATAATAGAGCATGCA  138
           |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||| |||||||||||||
Db    320  AGATAGCAGCTTTATTCACAGTGACAGTCCCTAAGGAACTGTACATAATAGAGCATGCA  379

Qy    139  GCAATGTGACCCTGGAATGCAACTTGACACTTGGAAGTCATGTGAACCTTGGAGCAATAA  198
           |||||||||||||||||||||||||||||||||||||| ||||||||||||||||||||
Db    380  GCAATGTGACCCTGGAATGCAACTTGACACTTGGAAGTCATGTGAACCTTGGAGCAATAA  439

Qy    199  CAGCCAGTTTGCAAAAGTCAAAATGATACATCCCACACCGTGAAAGAGCCACTTTGC  258
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    440  CAGCCAGTTTGCAAAAGTCAAAATGACATCCCACACCGTGAAAGAGCCACTTTGC  499

Qy    259  TGGAGGAGCAGCTGCCCCTAGGGAAGGCCTGTTCCACACACCTCAAGTGAGGG  318
           |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    500  TGGAGGAGCAGCTGCCCCTAGGGAAGGCCTCGTTCCACATACCTCAAGTCAAGTGAGGG  559

Qy    319  ACGAAGGACAGTACCAATGCATAATCATCTATGGGGTCGCCTGGGACTACAAGTACCTGA  378
           |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    560  ACGAAGGACAGTACCAATGCATAATCATCTATGGGGTCGCCTGGGACTACAAGTACCTGA  619

Qy    379  CTCTGAAAGTCAAAGCTTCCTACAGAGAAAATAAAACACTCACATCCTAAAGGTTCAGAAA  438
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    620  CTCTGAAAGTCAAAGCTTCCTACAGAGAAAATAAAACACTCACATCCTAAAGGTTCCAGAAA  679

Qy    439  CAGATGAGGTAGAGCTCACCTGCCAGGCTCACAGGTTATCCTCTGGCAGAGTATCCTGGC  498
           |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    680  CAGATGAGGTAGAGCTCACCTGCCAGGCTCACAGGTTATCCTCTGGCAGAGTATCCTGGC  739

Qy    499  CAAACGTCAGCGTTCCTGCCAACACCAGCCACTCCAGGACCCCTGAAGGCCTCTACCAGG  558
           |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    740  CAAACGTCAGCGTTCCTGCCAACACCAGCCACTCCAGGACCCCTGAAGGCCTCTACCAGG  799

Qy    559  TCACCAGTGTTCTGCGCCTAAAGCCACCCCCTGGCAGAACTTCAGCTGTGTGTTCTGA  618
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||| ||
Db    800  TCACCAGTGTTCTGCGCCTAAAGCCACCCCCTGGCAGAAACTTCAGCTGTGTGTTCTGA  859

Qy    619  ATACTCACGTGAGGGAACTTACTTTGGCCAGCATTGACCTTCAAAGTCAAGATGAGAACCCA  678
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    860  ATACTCACGTGAGGGAACTTACTTTGGCCAGCATTGACCTTCAAAGTCAAGATGAACAGAACCCA  919

Qy    679  GGACCCATCCAACTTGGCTGCTTCACATTTCATCCCCTGGCTGGTGCATCATTGCTTTCATTT  738
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    920  GGACCCATCCAACTTGGCTGCTTCACATTTTCATCCCCTGGCTGGTGCATCATTGCTTTCATTT  979

Qy    739  TCATAGCCACAGTGATAGCCCTAAGAAAACAACTCTGTCAAAAGCTGTATTCTTCAAAAG  798
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    980  TCATAGCCACAGTGATAGCCCTAAGAAAACAACTCTGTCAAAAGCTGTATTCTTCAAAAG  1039

Qy    799  ACACAACAAAAGACCTGTCACCACAACACAAGAGGGAAGTGAACAGTGAACAGTGAACCT  858
           |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1040  ACACAACAAAAGACCTGTCACCACAACACAAGAGGGAAGTGAACAGTGAACAGTGAACCT  1099

Qy    859  GTGGTCTTGGGAGCCAGGGTGACCTGACCTGACTTCTGGACTTCTGAAC  918
           ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1100  GTGGTCTTGGGAGCCAGGGTGACCTGACCTGACTTGCCATTGCACTTTTCAAATGCCTTTGGATGACCC  1159

Qy    919  AAGAATTCGGTGGCTGGCCTGCAGAGCTTGCCATTGCACTTTTCAAATGCCTTTGGATGACCC  978
           |||
Db   1160  AAGAATTCGGTGGCTGGCCTGCAGAGCTTGCCATTGCACTTTTCAAATGCCTTTGGATGACC  1229

Qy    979  AGCA  982
           ||||
Db   1220  AGCA  1223
```

RESULT 9
US-09-896-913A-1
; Sequence 1, Application US/09896913A
; Patent No. US2002016460A1
; GENERAL INFORMATION:

```
; SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1
; SEQ ID NO 20
; LENGTH: 842
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Homo sapiens
US-09-875-338-20

Query Match    68.2%;  Score 824;  DB 9;  Length 842;
Best Local Similarity  99.4%;  Pred. No. 3.1e-262;
Matches  827;  Conservative  0;  Mismatches  5;  Indels  0;  Gaps  0;

Qy   30  AACATGATCTTCCTCCTGCTAATGTTGAGCCTGGAATTGCAGCTTCACCAGATAGCAGCT   89
         | |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db    8  ACCATGATCTTCCTCCTGCTAATGTTGAGCCTGGAATTGCAGCTTCACCAGATAGCAGCT   67

Qy   90  TTATTCACAGTGACAGTCCCTAAGGAACTGTACATATAGAGCATGGCAGCAATGTGACC  149
         |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   68  TTATTCACAGTGACAGTCCCTAAGGAACTGTACATATAGAGCATGGCAGCAATGTGACC  127

Qy  150  CTGGAATGCAACTTTGACACTGGAAGTCATGTGAACCTTGAGCAATAACAGCCAGTTTG  209
         |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  128  CTGGAATGCAACTTTGACACTGGAAGTCATGTGAACCTTGAGCAATAACAGCCAGTTTG  187

Qy  210  CAAAAGGTGAAAATGATACATCCCCACACCGTGAAAGAGCCACTTTGCTGAGGAGCAG  269
         ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  188  CAAAAGGTGAAAATGATACATCCCCACACCGTGAAAGAGCCACTTTGCTGGAGGAGCAG  247

Qy  270  CTGCCCTAGGGAAGGCCTCGTTCACATACCTCAAGTCCACATACCTCAAGTCAGTGCAGCAG  329
         |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  248  CTGCCCTAGGGAAGGCCTCGTTCACATACCTCAAGTCCACATACCTCAAGTCAGTGCAGCAG  307

Qy  330  TACCAATGCATAATCATCTATGGGGTGCGCTGGGACTACGACTCTGAAAGTC  389
         |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  308  TACCAATGCATAATCATCTATGGGGTGCGCTGGGACTACGACTCTGAAAGTC  367

Qy  390  AAAGCTTCCTACAGGAAAATAAACACTCACATCCTAAAGGTTCCAGAAGATGAGGTA  449
         |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  368  AAAGCTTCCTACAGGAAAATAAACACTCACATCCTAAAGGTTCCAGAAGATGAGGTA  427

Qy  450  GAGCTCACCTGCCAGGTTATCCTCTGGCCAGAAGTATCCTGGCCAAAGTCAGC  509
         ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  428  GAGCTCACCTGCCAGGTTATCCTCTGGCCAGAAGTATCCTGGCCAAAGTCAGC  487

Qy  510  GTTCCTGCCAACACCAGCCACTCCAGGACCCCTACCAGGTCACCAGTGTT  569
         ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  488  GTTCCTGCCAACACCAGCCACTCCAGGACCCCTACCAGGTCACCAGTGTT  547

Qy  570  CTGCGGCCTAAAGCCACCCCCCTGGCAGCAGAAACTTCAGCTGTGTTCTCGGAATACTCACGTG  629
         ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  548  CTGCGGCCTAAAGCCACCCCCCTGGCAGCAGAAACTTCAGCTGTGTTCTCGGAATACTCACGTG  607

Qy  630  AGGGAACTTACTTTGGCCAGCATTTTCATCCCCTGCATCATTGCTTTCATTTCATAGAGCCACCA  689
         ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  608  AGGGAACTTACTTTGGCCAGCATTTTCATCCCCTGCATCATTGCTTTCATTTCATAGAGCCACCA  667

Qy  690  ACTTGGCTGCTTCACATTTTCATCCCCTGCATCATTGCTTTCATTTTCATTTTCAAAGACACACAAAA  749
         |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  668  ACTTGGCTGCTTCACATTTTCATCCCCTGCATCATTGCTTTCATTTTCATTTTCAAAGACACACAAAA  727

Qy  750  GTGATAGCCCTAAGAAAACAACTCTGTATTCTTCAAAGACTGTAATTCTTCAAAAGACACAACAAAA  809
         ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  728  GTGATAGCCCTAAGAAAACAACTCTGTATTCTTCAAAGACTGTAATTCTTCAAAAGACACAACAAAA  787

Qy  810  AGACCTGTCACCACCACAAAGAGGAGGAAGTGAACAGTGCTATCTGAACCTGTG  861
         ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  788  AGACCTGTCACCACCACAAAGAGGAGGAAGTGAACAGTGCTATCTGAACCTGTG  839
```

```
Db  500  TGGAGGAGCAGCTGCCCTAGGGAAGGCCTCGTTCACATACCTCAAGTCAAGTGAGGG  559
         ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Qy  319  ACGAGGACAGTACCAATGCATAATCATCTATGGGGCTCGCCTGGGACTACAAGTACCTGA  378
         |||||||||||||||||||||||||||||||||||  |||||||||||||||||||||||
Db  560  ACGAGGACAGTACCAATGCATAATCATCTATGGGGTCGCCTGGGACTACACAGTACCTGA  619

Qy  379  CTCTGAAAGTCAAAGCTTCCTACAGGAAAATAAACACTCACATCCTAAAGGTTCCAGAAA  438
         |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  620  CTCTGAAAGTCAAAGCTTCCTACAGGAAAATAAACACTCACATCCTAAAGGTTCCAGAAA  679

Qy  439  CAGATGAGGTAGAGCTCACCTGCCAGGCTACAGGTTATCCTCTGCCAGAGTATCCTGGC  498
         |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  680  CAGATGAGGTAGAGCTCACCTGCCAGGCTACAGGTTATCCTCTGCCAGAGTATCCTGGC  739

Qy  499  CAAACGTCAGCGTTCCTGCCAACACCAGCCACTCCAGGACCCCTGAAGGCCTCTACCAGG  558
         |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  740  CAAACGTCAGCGTTCCTGCCAACACCAGCCACTCCAGGACCCCTGAAGGCCTCTACCAGG  799

Qy  559  TCACCAGTGTTCTCGGGCCTAAAGCCAGGTTCTCAGCTGTGTTCTGGA  618
         |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  800  TCACCAGTGTTCTCGGGCCTAAAGCCAGGTTCTCAGCTGTGTTCTGGA  859

Qy  619  ATACTCACGTGAGGGAACTTACTTTGGCCAGCATTGACCTTCAAAGTCAGATGGAACCCA  678
         |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  860  ATACTCACGTGAGGGAACTTACTTTGGCCAGCATTGACCTTCAAAGTCAGATGGAACCCA  919

Qy  679  GGACCCATCCAACTTGGCTGCTTCACATTTCATCCCCTGCATCATTGCTTTCATTT  738
         |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  920  GGACCCATCCAACTTGGCTGCTTCACATTTCATCCCCTGCATCATTGCTTTCATTT  979

Qy  739  TCATAGAGCCACAGTGATAGCCCTAAGAAAAACAACTCTGTCAAAAGCTGTATTCTTCAAAAG  798
         ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  980  TCATAGAGCCACAGTGATAGCCCTAAGAAAAACAACTCTGTCAAAAGCTGTATTCTTCAAAAG  1039

Qy  799  ACACAACAAAAGACCTGTCACCACCAGAGGAAGTGAACAGTGCTATCTGAACCT  858
         |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db 1040  ACACAACAAAAGACCTGTCACCACCAGAGGAAGTGAACAGTGCTATCTGAACCT  1099

Qy  859  GTGGGTCTTGGGAGCCAGGGTGACCTGATATGACATCTAAAGAAGCTTCTGGACTTGAAC  918
         ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db 1100  GTGGGTCTTGGGAGCCAGGGTGACCTGATATGACATCTAAAGAAGCTTCTGGACTTGAAC  1159

Qy  919  AAGAATTCGGTGGCTGGCCTGCGAGAGCTTGCCATTTGCACTTTGCAAATGCCTTTGGATGACCC  978
         ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db 1160  AAGAATTCGGTGGCTGGCCTGCGAGAGCTTGCCATTTGCACTTTGCAAATGCCTTTGGATGACCC  1219

Qy  979  AGCA  982
         ||||
Db 1220  AGCA  1223
```

RESULT 11
US-09-875-338-20
; Sequence 20, Application US/09875338
; Patent No. US20020095024A1
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: MIKSELL, GLEN E.
; APPLICANT: CHANG, HAN
; APPLICANT: FINGER, JOSHUA N.
; APPLICANT: YANG, GUCHEN
; APPLICANT: LU, PIN
; APPLICANT: ZHOU, XIA-DI
; APPLICANT: PEACH, ROBERT
; TITLE OF INVENTION: B7-RELATED NUCLEIC ACIDS AND POLYPEPTIDES USEFUL FOR
; TITLE OF INVENTION: IMMUNOMODULATION
; FILE REFERENCE: 3053-407lUS2
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/875,338
; CURRENT FILING DATE: 2001-06-06
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/272,107
; PRIOR FILING DATE: 2001-02-28
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/209,811
; PRIOR FILING DATE: 2000-06-06
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 94

RESULT 12
US-10-077-023-20
; Sequence 20, Application US/10077023
; Publication No. US2003031675A1
; GENERAL INFORMATION:

RESULT 9
US-09-896-913A-1
; Sequence 1, Application US/09896913A
; Patent No. US20020164600A1
; GENERAL INFORMATION:

```
Db   260 ATCAAATACAGAACATGAACATCTTCCTCCTGCTAAGTTGAGCCTGGAATTGCAGCTTCACC 319
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Qy    79 AGATAGCAGCTTATTCACAGTGACAGTCCCTAAGGAACTGTACATATAGAGCATGGCA 138
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   320 AGATAGCAGCTTATTCACAGTGACAGTCCCTAAGGAACTGTACATATAGAGCATGGCA 379

Qy   139 GCAATGTGACCCTGGAATGCAACTTGACACTGGAGTCATGTGACCTTGGAGCAATAA 198
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   380 GCAATGTGACCCTGGAATGCAACTTGACACTGGAGTCATGTGACCTTGGAGCAATAA 439

Qy   199 CAGCCAGTTTGCAAAAGGTGGAAAATGATACATCCCACACCGTGAAAGAGCCACTTTGC 258
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   440 CAGCCAGTTTGCAAAAGGTGGAAAATGATACATCCCACACCGTGAAAGAGCCACTTTGC 499

Qy   259 TGGGAGGAGCAGCTGCCCCTAGGGAAGGCCTCGTTCCACATACCTCAAGTGAGGG 318
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   500 TGGGAGGAGCAGCTGCCCCTAGGGAAGGCCTCGTTCCACATACCTCAAGTGAGGG 559

Qy   319 ACGAAGGACAGTACCAATGCATAATCATCTACGAAAATAAACACTCACACTACAAGTACCTGA 378
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   560 ACGAAGGACAGTACCAATGCATAATCATCTACGAAAATAAACACTCACACTACAAGTACCTGA 619

Qy   379 CTCTGAAAGTCAAAGCTTCCTACAGAATAACACTCGCCATCCTAAAGGTTCAGAAA 438
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   620 CTCTGAAAGTCAAAGCTTCCTACAGAATAACACTCGCCATCCTAAAGGTTCAGAAA 679

Qy   439 CAGATGAGGTAGAGCTCACCTGCCAGGCTACAGGTTATCCTCTGGCAGAAGTATCCTGGC 498
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   680 CAGATGAGGTAGAGCTCACCTGCCAGGCTACAGGTTATCCTCTGGCAGAAGTATCCTGGC 739

Qy   499 CAAACGTCAGCGTTCCTGCCAACACCAGCACTCCAGGACCCCTGAAGGCCTCTACCAGG 558
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   740 CAAACGTCAGCGTTCCTGCCAACACCAGCACTCCAGGACCCCTGAAGGCCTCTACCAGG 799

Qy   559 TCACCAGTGTTCTGCGGCCTCAAAGCACCCCTGGCAGAAAACTTCAGCTGTGTGTCTGGA 618
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   800 TCACCAGTGTTCTGCGGCCTCAAAGCACCCCTGGCAGAAAACTTCAGCTGTGTGTCTGGA 859

Qy   619 ATACTCACGTGAGGGAACTTACTTGGCCAGCATTGACCTTCAAAGTCAAGTGAATGGAACCCA 678
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   860 ATACTCACGTGAGGGAACTTACTTGGCCAGCATTGACCTTCAAAGTCAAGTGAATGGAACCCA 919

Qy   679 GGACCCATCAACTGGCGTGCTTCACATTTCATCCCCTCCTGCATCATTGCTTTCATTT 738
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   920 GGACCCATCAACTGGCGTGCTTCACATTTCATCCCCTCCTGCATCATTGCTTTCATTT 979

Qy   739 TCATAGCCACAGTGATAGCCCTAAGAAAACAACTCGTCAAAAGCTGTATTCTTCAAAAG 798
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   980 TCATAGCCACAGTGATAGCCCTAAGAAAACAACTCGTCAAAAGCTGTATTCTTCAAAAG 1039

Qy   799 ACACAACAAAAGACCTGTCACCACAACAAAGAGGGAAGTGAACAGTGCTATCTGAACCT 858
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  1040 ACACAACAAAAGACCTGTCACCACAACAAAGAGGGAAGTGAACAGTGCTATCTGAACCT 1099

Qy   859 GTGGTCTTGGGAGCCAGGTGACCTGACTGATATGACTTCTGAAAGAAGCTTCTGGACTCTGAAC 918
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  1100 GTGGTCTTGGGAGCCAGGTGACCTGACTGATATGACTTCTGAAAGAAGCTTCTGGACTCTGAAC 1159

Qy   919 AAGAATTCGGTGGCCTGCCTGCAGAGCTTGCCATTTGCACTTTTCAAATGCCTTTGGATGACCC 978
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  1160 AAGAATTCGGTGGCCTGCCTGCAGAGCTTGCCATTTGCACTTTTCAAATGCCTTTGGATGACCC 1219

Qy   979 AGCA 982
             ||||
Db  1220 AGCA 1223
```

RESULT 8
US-09-895-837-1
; Sequence 1, Application US/09895837
; Patent No. US20020110836A1
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: Freeman, Gordon
; APPLICANT: Chernova, Irene
; APPLICANT: Chernova, Tatyana
; APPLICANT: Malenkovich, Nelly
; APPLICANT: Wood, Clive
; APPLICANT: Latchman, Yvette
; APPLICANT: Sharpe, Arlene H.
; TITLE OF INVENTION: PD-L2 MOLECULES: NOVEL PD-1 LIGANDS AND
; TITLE OF INVENTION: USES THEREFOR
; FILE REFERENCE: GNN-026B
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/895,837
; CURRENT FILING DATE: 2001-06-28
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/214,563
; PRIOR APPLICATION FILING DATE: 2000-06-28
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/270,822
; PRIOR FILING DATE: 2001-02-23
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/271,114
; PRIOR FILING DATE: 2001-02-23
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 12
; SOFTWARE: FastSEQ for Windows Version 4.0
;
; SEQ ID NO 1
; LENGTH: 1223
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Homo sapiens
; FEATURE:
; NAME/KEY: CDS
; LOCATION: (274)...(1092)
US-09-895-837-1

Query Match     79.7%;  Score 964;  DB 10;  Length 1223;
Best Local Similarity  100.0%;  Pred. No. 1.3e-308;
Matches 964;  Conservative  0;  Mismatches  0;  Indels  0;  Gaps  0;

```
Qy    19 ATCAAATACAGAACATGAACATCTTCCTCCTGCTAAGTTGAGCCTGGAATTGCAGCTTCACC 78

Qy   739 TCATAGCCACAGTGATGATAGCCCTAAGAAAACAACTCTGTCAAAAGCTGTATTCTTCAAAAG 798
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   977 TCATAGCCACAGTGATGATAGCCCTAAGAAAACAACTCTGTCAAAAGCTGTATTCTTCAAAAG 1036

Qy   799 ACACAACAAAAGACCTGTCACCACAACAAAGAGGAAGTGAACAGTGCT---ATCTGA 854
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||    ||||||
Db  1037 ACACAACAAAAGACCTGTCACCACAACAAAGAGGAAGTGAACAGTGCTGTGAATCTGA 1096

Qy   855 ACCTGTGGTCTTGGGAGCCAGGGTGACCTGATATGACATCTAAAGAGAGCTTCTGGACTCT 914
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  1097 ACCTGTGGTCTTGGGAGCCAGGGTGACCTGATATGACATCTAAAGAGAGCTTCTGGACTCT 1156

Qy   915 GAACAAGAATTCGGTGGCCTGGCCTGCAGAGCTTGCCATTTGCACTTTTGCAAATGCCTTTGGATG 974
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  1157 GAACAAGAATTCGGTGGCCTGGCCTGCAGAGCTTGCCATTTGCACTTTTGCAAATGCCTTTGGATG 1216

Qy   975 ACCCAGCACTTTAATCTGAAACCTGCAACAAGACTAGCCACACCTGGCCATGAAAACTTG 1034
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  1217 ACCCAGCACTTTAATCTGAAACCTGCAACAAGACTAGCCACACCTGGCCATGAAAACTTG 1276

Qy  1035 CCCCTTCACTGATCTGGACTCACCTCTGGAGCCTATGGCTTAAGCAAGCACTACTGCAC 1094
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  1277 CCCCTTCACTGATCTGGACTCACCTCTGGAGCCTATGGCTTAAGCAAGCACTACTGCAC 1336

Qy  1095 TTTACAGAATTACCCCCACTGGATCCTGGACCCCACAGAATTCCTTCAGGATCCTTCTTGCT 1154
             |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  1337 TTTACAGAATTACCCCCACTGGATCCTGGACCCCACAGAATTCCTTCAGGATCCTTCTTGCT 1396

Qy  1155 GCCAGACTGAAAGCAAAAGAATTATTTCCCCTCAAGTTTTCTAAGTGATTTCCA 1209
             ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db  1397 GCCAGACTGAAAGCAAAAGAATTATTTCCCCTCAAGTTTTCTAAGTGATTTCCA 1451
```